

## Oligos d'ADN personnalisés dans des tubes

- Grande variété de modifications d'ADN disponibles
- Échelles de synthèse de 0,01 µmol à 10 µmol
- Options de purification : sans sel, HPSF, HPLC
- Longueurs de séquence :
  - 5 - 120 bases pour les oligos non modifiés
  - 5 à 80 bases pour les oligos modifiés (5 à 50 bases pour certaines modifications en 3')
- Contrôle qualité par mesure OD et MALDI-TOF MS
- Livraison en tubes à bouchon à vis de 2 ml
- Format de livraison : lyophilisé ou concentration ajustée
- Service d'aliquotage disponible

## Oligos d'ADN personnalisés dans des plaques

- Grande variété de modifications d'ADN disponibles
- Échelles de synthèse : 0,01 µmol, 0,05 µmol et 0,2 µmol
- Options de purification : sans sel, HPSF, HPLC
- Longueurs de séquence :
  - 5 - 120 bases pour les oligos non modifiés
  - 5 à 80 bases pour les oligos modifiés (5 à 50 bases pour certaines modifications en 3')
- Contrôle qualité par mesure OD et MALDI-TOF MS
- Format de livraison : Liquide à la concentration sélectionnée
- Possibilité de mélange d'amorces directes et inverses
- Génération de copies de plaques (aliquot - plaques) disponible

## Synthèse et post-traitement en ultra haut débit.

- Disponible pour tous les oligos d'ADN non modifiés
- Déprotégé et exempt de sel
- Quantification précise - Variabilité de max. +/- 20%
- TAT rapide de 1 à 3 jours ouvrables jusqu'à 60 mers, échelle de 0,01 à 1,0 µmol
- TAT de > 61 mer ou échelle de 10,0 µmol 4-10 jours ouvrables

### Rendements minimaux et moyens (DO) par échelle et longueur :

Longueur [bases] / Echelle de synthèse		5 - 17	18 - 35	36 - 50	51 - 80	81 - 120
0,01 µmol	le minimum	3.0	4.0	7.0	xxx	xxx
	moyen	6.0	8.5	14.5	xxx	xxx
0,05 µmol	le minimum	4.0	6.0	10.0	10.0	10.0
	moyen	8.0	12.5	20,0	25,0	30,0
0,20 µmol	le minimum	10.0	12.0	20,0	25,0	25,0
	moyen	20,0	25,0	40,0	35,0	n / A
1,0 µmol	le minimum	30,0	35,0	50,0	60,0	60,0
	moyen	n / A	n / A	n / A	n / A	n / A
10 µmol	le minimum	300	500	400	400	200
	moyen	n / A	n / A	n / A	n / A	n / A

L'échelle de synthèse indique la quantité initiale de 3'-bases. Les rendements moyens sont des valeurs statistiques et varient en raison des séquences d'oligo avec une teneur en GC > 50%, > 3 tronçons de purine ou de fortes structures secondaires.

### HPSF est une méthode d'exclusion de taille par filtration sur gel et signifie High Purity Salt Free.

- Disponible pour tous les oligos non modifiés et certains oligos modifiés
- Nettoyé des produits chimiques et des séquences tronquées
- Exempt de tout sel gênant
- Quantification précise - Variabilité de max. +/- 10%
- **Pureté >70 %** pour les oligos 18-35mer
- TAT rapide de 1 à 4 jours ouvrables jusqu'à 60 mers, échelle de 0,01 à 1,0 µmol
- TAT de > 61 mer ou échelle de 10,0 µmol 6-10 jours ouvrables

### Rendements minimum et moyens (OD) par échelle et longueur pour les oligos non modifiés :

Longueur [bases] / Echelle de synthèse		5 - 17	18 - 35	36 - 50	51 - 80	81 - 120
---	--	--------	---------	---------	---------	----------

0,01 µmol	le minimum	1.5	2.0	2.5	xxx	xxx
	moyen	3.0	5.0	9.0	xxx	xxx
0,05 µmol	le minimum	2.0	3.0	5.0	3.0	3.0
	moyen	4.0	7.5	15,0	15,0	15,0
0,20 µmol	le minimum	4.0	6.0	10.0	10.0	10.0
	moyen	n / A	15,0	25,0	25,0	22,0
1,0 µmol	le minimum	15,0	25,0	30,0	30,0	30,0
	moyen	n / A	40,0	50,0	45,0	n / A
10 µmol	le minimum	150	300	200	200	150
	moyen	n / A	n / A	n / A	n / A	n / A

Rendements minimaux (DO) par échelle pour les oligos modifiés :

Échelle de synthèse		0,01 µmol	0,05 µmol	0,2 µmol	1,0 µmol	10 µmol
HPSF	DO minimale	2.0	3.0	5.0	10.0	100

L'échelle de synthèse indique la quantité initiale de 3'-bases. Les rendements moyens sont des valeurs statistiques et varient en raison des séquences d'oligo avec une teneur en GC> 50%,> 3 tronçons de purine ou de fortes structures secondaires.

HPLC signifie chromatographie liquide à haute performance. La méthode de purification avec une efficacité de séparation élevée.

- Disponible pour tous les types d'oligos d'ADN
- Suppression des séquences tronquées
- Quantification précise - Variabilité de max. +/- 10%
- **Pureté ≥80 %** jusqu'à 120 mers
- TAT : 5 à 7 jours ouvrés jusqu'à 60 mères, échelle de 0,01 à 1,0 µmol
- TAT de > 61 mer ou échelle de 10,0 µmol 10 jours ouvrables

Rendements minimum et moyens (OD) par échelle et longueur pour les oligos non modifiés :

Longueur [bases] / Échelle de synthèse		5 - 17	18 - 35	36 - 50	51 - 80	81 - 120
0,01 µmol	le minimum	1.0	1.5	2.0	xxx	xxx
	moyen	2.5	4.0	6.0	xxx	xxx
0,05 µmol	le minimum	2.0	2.5	3.0	3.0	3.0
	moyen	3.5	6.0	10.0	9.5	9.3
0,20 µmol	le minimum	4.0	6.0	8.0	8.0	8.0
	moyen	6.5	13.5	17.5	14.0	10.0

1,0 µmol	le minimum	10.0	10.0	20,0	15,0	10.0
	moyen	18.5	35,0	40,0	25,0	n / A
10 µmol	le minimum	80	150	180	120	80
	moyen	n / A	n / A	n / A	n / A	n / A

#### Rendements minimaux (DO) par échelle pour les oligos modifiés :

Échelle de synthèse		0,01 µmol	0,05 µmol	0,2 µmol	1,0 µmol	10 µmol
CLHP	DO minimale	1.0	2.0	3.0	6.0	60

L'échelle de synthèse indique la quantité initiale de 3'-bases. Les rendements moyens sont des valeurs statistiques et varient en raison des séquences d'oligo avec une teneur en GC > 50%, > 3 tronçons de purine ou de fortes structures secondaires.

#### Tous les documents pertinents sont fournis dans votre compte en ligne :

- Rapport de synthèse d'oligo
- Rapport de plaque
- Bon de livraison
- Rapport de qualité incl. Spectres QC, si demandés

**Pour garantir un processus de commande fluide, voici quelques conseils pour commander des oligos d'ADN personnalisés au format plaque.**

#### Commande en ligne :

- Jusqu'à 12 plaques peuvent être spécifiées via le téléchargement de fichiers ou le copier-coller
- Une plaque doit contenir un minimum de 12 oligos
- Les modifications peuvent être saisies directement dans la séquence
- La concentration et le volume peuvent être spécifiés
- Des copies de plaque en tant que service supplémentaire peuvent être sélectionnées
- Une vue d'ensemble de la plaque vous permet de valider et de modifier des puits individuels

#### Types de plaques disponibles :

- 96 puits, 1,2 ml, puits ronds
- 96puits, 0,8 ml, puits ronds
- 96 puits, 2,2 ml, plaques à puits profonds
- Plaques PCR 96puits, 0,2 ml

**Bon à savoir:**

Les oligos de plaque sont livrés dans le type de plaque sélectionné avec le volume requis (max. 500 µl resp. 150 µl pour les plaques PCR) pour la concentration sélectionnée.

Pour les copies de plaques supplémentaires (plaques aliquotes) ou les plaques de mélange, le volume demandé est prélevé sur la plaque mère.

Les oligos restants dans la plaque mère sont toujours fournis avec les copies de plaque ou les plaques de mélange sans frais supplémentaires.

**Important pour les plaques de mélange :**

- Définir les plaques pour les amorces directes et inverses (par exemple Plate1\_ for, Plate1\_ rev)
- Utilisez les mêmes noms d'amorces accompagnés du suffixe ".for" ou ".f" et ".rev" ou ".r"
- Sélectionnez la concentration des amorces directes et inverses
- Spécifiez la concentration finale et le volume du mélange d'amorces dans le commentaire de la commande

**Projets personnalisés :**

Si vous avez besoin de formats de plaques supplémentaires, d'un service particulier de normalisation ou de mutualisation, n'hésitez pas à [nous faire part de votre demande](#) !

## Contrôles qualités réalisés :

### Mesure du OD

Le rendement final d'un oligo est déterminé en mesurant les valeurs de DO (Optical Density). Une unité OD260 d'ADN est la quantité d'ADN qui donne une lecture d'absorbance de 1,0 à une longueur d'onde de 260 nm, pour un échantillon dissous dans un volume total de 1,0 ml de ddH<sub>2</sub>O qui est lu dans une cuvette en quartz de 1 cm. 1 OD260 correspond à env. 33 µg/ml d'ADN simple brin, selon la teneur en GC.

### MALDI-TOF MS

Pour garantir l'identité et la pureté qualitative de chaque oligonucléotide synthétisé, nous utilisons la dernière génération de spectromètres de masse Sequenom MALDI-TOF (Matrix Assisted Laser Desorption Ionisation - Time of Flight). Le haut degré d'automatisation et l'utilisation de logiciels propriétaires pour analyser les spectres garantissent que nous fournissons des oligonucléotides de la plus haute qualité.